

PFC	Dist to 3' gene	Length	Sequence
			CTGGTCAAAATGACCCATACATCCTCCCAGGCAGCAGTGTCAATC ATCAAAAACCTGGGGCTCGTCATTAAGGTCTGAATGACGCTGTTTG AATAATCATTTATTGTAACAGTTTTATAAGCAAATAAATAGAGGC TCCTGTCAGTGGCTAATGAAGGCGGATTCTGGCAGACAAATAGG GCCAGGTAGGGAGAGACACAACGAATGGACTGGCCGCTCTCTCT CCCCTCCAGCTACATCTCAGCTCAGCTCCAATCGCTCAGGGGCTC GGCCTCTGGGGTGAAATTGACAGTCTGATTAATAAAATGAGCTGA
XtrD <sub>AC</sub> 1 <sub>ab</sub>	7,140	336	GCAACGTTTCCCCCTTCATTTA
XtrD <sub>CE</sub> 5	3,800	27	TTGAGGTAGGGTAACAAATGGCAGAGA
XtrD <sub>CE</sub> 6	1,551	39	TTGGCCAAAAGCCTCTTGAGGGAGATTGCAGTTCCTGG CTTGCAGAACTGTGGTGGCAATAAATGAAATGACTCACAATCTCT TCCCCAGTCAGGTTTTACGAGAGCTGCCAGACAGCGTCTGTTCCC GTTCCGCAGATACTAGGGGCGCCATAACAAAGTTAAGGTCAAGTT AGTGTCT
XtrD <sub>CE</sub> 10 <sub>abcde</sub>	3,493	142	
XtrD <sub>EF</sub> 14	5,242	34	GGAACAAGGACTTGAATTTGATGTCTCAAAGCA
XtrD <sub>EF</sub> 11 <sub>ab</sub>	5,033	28	TGTTTAGAAAACCTTGAAGTGTCTAGAC
XtrD <sub>EF</sub> 15	4,801	26	TGAGAACAAAGGGTGGGGGAGAAAA
			ATTTGTGTTAAAACAAAAAGCAAAAAAAAAAGAAGAGTGACCCCT TTTTTGGTGGCAGTAAAGTGTAATAATCAATGGGGCGATTTTCA ATAATTCATATTGCAATGCCATTATGCAAAGTTTTACCTATTAAT CTTCCCCCTTTACTAAGTTTTGATTGATCTGCTCGTAAAAAGATCTG CCCCTGTGTGGCAACAGAGCGTTATAACTTTAAAAATCATCAG AAGGTAGAAAATTGACCAAGTATTTCAAGAAATGTAGATGGGAATG GTATTGATCGCCCCGATTCTTCTTAATATGTATTAATAAAATCCG CAACCTTTGTGCCTTCAACTTGTGAGGAATTAATGCTTTTACAAA TCCATAAAGGGAAAACACATCTGTCTTGGCATTATTATAATGACA
XtrD <sub>EF</sub> 18	1,098	408	C
			CACGTGACCCACAGGGAGGCAGCAGCTCAAGGCCATTTTCAAAT CTCATTTGGCTCGCTTGTGATGTGTTGTGCAGAGGCTTCACAATT ACACAGGGAATGTTTTGCTAGAGATGTCAGCCTACAAAGGACA
XtrD <sub>EF</sub> 19 <sub>bc</sub>	162	132	
XtrD <sub>FG</sub> 21 <sub>b</sub>	679	22	TAATCAAATGCACCTCATAAAA
			AGCGGATTGATTTACTCAGTATTGGTAAATATGATCACGTGGACT CCGCAACCAATGGACGGAGGTTGCAGTCTGCAAAAATACTATGATT GTTCTCAGGGAGGGTATTGCATACAGTTAAGAGTGTA
XtrD <sub>FG</sub> 23 <sub>abce</sub>	158	128	
			AAATCCGCAAGGAATTGCAGTAAATTCCTTTTTTGTGTTGAAGAA ATTTACAACCTGGTAATAGACCTTTTTATGACCTCTGCGGGGCTGT GATTGGCTCCTTCTGGTCACATGCAGGCTGGGATATTCTTCATGG CCTTTTGCCGATTTC
XtrD <sub>HL</sub> 35 <sub>abc</sub>	21,956	154	
			GAACAAAGAAAGTATTTCAAGGCTATTTGGCAGACAGCTGGGAGA GGTATTTAC
XtrD <sub>HL</sub> 40 <sub>a</sub>	19,262	53	
XtrD <sub>HL</sub> 33	16,579	34	GTATTTCAAGCAGCTAAAATAAAAAAACCTAAAA CACGTGATTCCAATAAACTTTGTTTTATGGCCTGAGAGTTGACAA GCTAAAATATAATT
XtrD <sub>HL</sub> 37 <sub>bc</sub>	4,957	61	
			AATAACCGTGTGGCTTTGACCTGTCTGAGCGAGTCGTGCGATAAG GTGAAATTCAGGTCACTCAGTCTAACAAA
XtrD <sub>HL</sub> 46 <sub>abcd</sub>	2,790	74	

XtrD <sub>HL</sub> 47 <sub>abc</sub>	2,212	86	TGAACTTTTGTACTGCACTGTGTGACTGTCGGCCACGTAAAAATA ATGGAACTTTTTGATATGTTTGCAAATGATTCCAATGACC
XtrD <sub>HL</sub> 48 <sub>abcde</sub>	1,232	80	GTCTATATGTACCCTGTAGAACCGAATTTGTGTGGTTCGTACAGT CACAGATTCGATTCTAGGGGGATATATGGTCGATG
XtrD <sub>HL</sub> 49 <sub>abc</sub>	143	143	TGATAAACTTTCTGCTCTGTGATTGGCTGCAGCGGTCACATGGCC ACCTAACTTTATTTCAGTTGACAGCAAGTAGGAGGGCTTTATGGAG GGAGAAAAAAGACAACACGAGAAAAATTAGTATTTCTATCCT CAGAAATTA
XtrD <sub>LM</sub> 56 <sub>abcde</sub>	11,397	187	ATTGTTTCTATGGCCAAAAGCTCATAAGTTCCTAAAGAGCAGAGGG TTCTTTTCTAGAAGCTTTCACGTTGAGCAGTTGAAAAGGTATTTT ACTGCAGAAACAGGTTCAACCGAGGGGCAAATTTCTGTCCGATT AGTTGTATTTAGCCGGGAGTGCTGACCTCTAAACCTTGACCCC TTGGAC
XtrD <sub>LM</sub> 57	10,334	12	TATTATTTATAC
XtrD <sub>LM</sub> 58 <sub>bc</sub>	8,690	105	CACGTGATCCACCAAATAATTAATTCAGCTCGTCCCTTAAGAAAC ACAGCGTCGCATTAATTTGCCAAGCAAAGGACTCTATCAGACTT GAAAACGAAGAGAT
XtrD <sub>LM</sub> 67 <sub>ab</sub>	7,419	103	TGACAATGGCCCAAGTTGTTGGTATAAATCATTGTAAGTAATTC TGAAAGGGTGTGAATGTGATGGCGAATGTCCGAGGACTGTAAATC TCCCAGTTTTATT
XtrD <sub>LM</sub> 61 <sub>ab</sub>	37,166	42	GTCATAAATTTACCTCCAAGCAAATGACAGGTGC
XtrD <sub>LM</sub> 62 <sub>a</sub>	35,469	36	GTCATAAATTTACCTCCAAGCAAATGACAGGTGC